

Figure 1

GAIN(%)	Gene/Locus	Loc.	GenBank
0.3	HSTRKR/TRK	1q21	AB019488
0.25	MYOC	1q22	AF001620
0.266666667	ESX	1q32	AF016295
0.283333333	KISS1	1q31	U43527
0.266666667	GATA7E09	1q42.2	
0.283333333	EGFR	7p12	X00588
0.416666667	MYC	8q232-q24	V00568
0.283333333	EMS1	11q13	M98343
0.25	CCND1	11q14	M64349
0.266666667	CSK	15q23-q25	X60114
0.25	E2F	20q11	M96577
0.25	AIB4	20q11	
0.333333333	SEM1	20q12	J04440
0.366666667	SRC	20q12	AH002989
0.35	TOP1	20q12	AH003017
0.3	PLC	20q12	M34667
0.366666667	MYBL2	20q12	X13293
0.283333333	YWHAB	20q13	X57346
0.35	STK4	20q13	U60207
0.333333333	HE4	20q13	X63187
0.383333333	PRKCBP1	20q12	AF233453
0.316666667	CAS	20q13	U33286
0.333333333	AIB1	20q13	AF036892
0.316666667	DCR3	20q13	AF104419
0.366666667	CEBPB	20q13	X52560
0.383333333	CYP24	20q13.2	L13286
0.25	ZABC1	20q13.2	AF041259
0.383333333	NABC1	20q13.2	AF041260
0.383333333	SPO11	20q13.2	AF169385
0.416666667	PCK1	20q13.2	L05144
0.333333333	BTAK	20q13	AF011468
0.3	PTPN1	20q12-q13.2	M33689

METHODS FOR DIAGNOSING AND MONITORING MALIGNANCIES
BY SCREENING GENE COPY NUMBERS

Inventors: Wen-Lin Kuo *et al.*

Docket No.: 02307O117500

Figure 2

LOSS(%)	Gene/Locus	Loc.	GenBank
0.3	MLLT2	4q32	L13773
0.25	PKD2	4q21.2	U50928
0.25	GAB1	4q31.2	U43885
0.35	IRF2	4q34	D14082
0.483333333	MTS1/CDKI4	9p21-p23	L27211
0.366666667	AF9X	9p13-p23	L13744
0.25	BRCA2	13q13	U43746
0.383333333	BCL2 5'	18q22	M14745
0.25	CLCN5	Xp11	X91906
0.25	AR	Xq11-q12	M20132
0.25	HDGF	Xq25	D16431
0.3	FMR2	Xqter	U48436